Escherichia albertii による 食中毒における 病因物質の特定について

静岡県環境衛生科学研究所

○森主博貴 鈴木秀紀 村田学博 松橋平太山田俊博 長岡宏美 佐原啓二

御殿場健康福祉センター衛生薬務課

泊明季 岩田佐知子 杉山智登勢 鈴木眞二

東部健康福祉センター細菌検査課

高井健太 平井愛 西尾智裕 野田佳宏

事件の概要

●発生年月日:平成28年7月10日

● 発生場所 :御殿場市、横須賀市、山梨県

●患者数等 :患者154人うち入院48人

嘔吐、発熱

●原因食品 : 7月9日、10日の野営訓練

中の食事

● 病因物質 : Escherichia albertii

(エシェリキア・アルバーティ)

食中毒発生速報第14号(2016/7/27)より

検査の流れ

供試材料

遺伝子検査(環境衛生科学研究所)

腸管病原性大腸菌疑い

分離培養検査 (保健所細菌検査課)

特定の大腸菌検出されず

乳糖・白糖非分解

生化学的性状試験

通常の大腸菌に一致せず、他の菌の可能性も…

供試材料

●患者便 : 10検体(水様、血便)

●従事者便:7検体

食品、水: 4 検体(煮卵、ビーフン、ヤングコーン)







※写真はイメージです

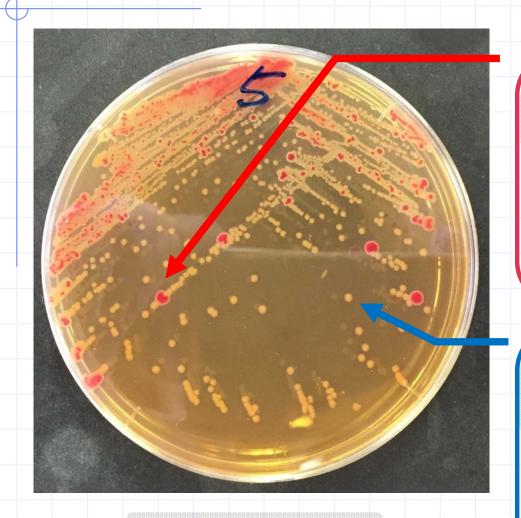
食中毒起因菌一斉遺伝子検索

反応	系	対象微生物	標的遺伝子	検査結果
Α	1	ウェルシュ菌	сре	(–)
	2	リステリア菌	hly	(-)
В	3	カンピロバクター・ジェジュニ	specific DNA	(-)
	4	腸管出血性大腸菌(stx2)	stx2	(-)
С	5	腸管病原性大腸菌	eae	(+)
	6	赤痢菌、細胞侵入性大腸菌	virA	(-)
D	7	嘔吐毒産生セレウス菌	ces	(-)
	8	毒素産生大腸菌(易熱性)	It	(-)
E	9	耐熱性溶血毒産生腸炎ビブリオ	tdh	(-)
	10	毒素産生大腸菌(耐熱性)	st	(-)
F	11	黄色ブドウ球菌	femB	(-)
	12	エルシニア菌	yadA	(-)
G	13	腸管凝集接着性大腸菌	astA	(-)
	14	腸管出血性大腸菌(stx1)	stx1	(-)
Н	15	サルモネラ菌	invA	(-)
	16	下痢毒産生セレウス菌	nheB	(-)

食中毒起因菌一斉遺伝子検索

反点	系	対象微生物	標的遺伝子	検査結果
Α	1	ウェルシュ菌	сре	(–)
A	2	リステリア菌	hly	(-)
В	3	カンピロバクター・ジェジュニ	. specific DNA	(-)
D	4	腸管出血性大腸菌(stx2)	stx2	(-)
	5	腸管病原性大腸菌	eae	(+)
C	6	赤痢菌、細胞侵入性大腸菌	virA	(-)
D	7	p*		(-)
	8	656/ /\ T		(-)
Е	9	eae(インチ	and the contract of the contra	(-)
	10	菌が腸粘膜に付着するために必要な		(-)
F	11	菌体表面にあるた		(-)
	12	細菌が腸管内で病原性を示すには (-))
G	13	細胞にくっついて増殖しな	ければ発症しない。	
	14	ほとんどの腸管病原性大腸	湯菌が持っている。	(-)
Н	15			(–)
	16			(-)

分離培養



DHL寒天培地

赤色不透明集落:

乳糖または白糖分解菌

大部分の病原性大腸菌はこちらに含まれる

無色透明集落: 乳糖および白糖非分解菌

一部の大腸菌は乳糖・白糖が非または遅分解性

生化学的性状



T S I

乳糖・白糖分解	_
ブドウ糖分解	+
硫化水素産生	_
ガス産生	+

LIM

リジン脱炭酸	+
インドール産生	+
運動性	_



検査の流れ

生化学的性状試験

通常の大腸菌に一致せず、他の菌の可能性も…

生化学的性状試験(追加)

大腸菌とE.albertiiとの鑑別

Multiplex PCR検査

PFGE検査

特異的遺伝子陽性

遺伝子型別一致

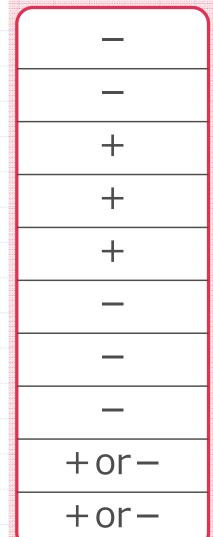
E.albertiiによる集団食中毒と断定

生化学的性状

分離株

乳糖分解	_
硫化水素産生	_
ガス産生	+
リジン脱炭酸	+
インドール	+
運動性	_
β-ク゛ルクロニタ゛ーセ゛	_
キシロース	_
ベロ毒素	_
ボイド赤痢菌血清型13	_

E.albertii



E.coli

+	
_	
+	
+	
+	
+	
·	
+	
'	
+	
ı	
+or-	
Lor	
+or-	
	co.

Multiplex PCR

Name	Sequence(5'-3')	Comment
clpX _28F	TGG CGT CGA GTT GGG CA	内因性
<i>clpX</i> _411R	TCC TGC TFC GGA TGT TTA CG	コントロール
<i>lysP</i> _107F	GGG CGC TGC TTT CAT ATA TTC TT	E.albertii
<i>lysP</i> _358R	TCC AGA TCC AAC CGG GAG TAT CAG GA	特異的
<i>mdh</i> _50F	CTG GAA GGC GCA GAT GTG GTA CTG ATT	E.albertii
<i>mdh</i> _164R	CTT GCT GAA CCA GAT TCT TCA CAA TAC CG	特異的

IASR Vol.37 No.5 (2016.5) より

Multiplex PCR

患者由来株

従事者由来株

M:マーカー

① ② ③ ④ ⑤ ⑥ ⑦ 8 ⑨ ⑩ ⑪ N M

N:陰性対照

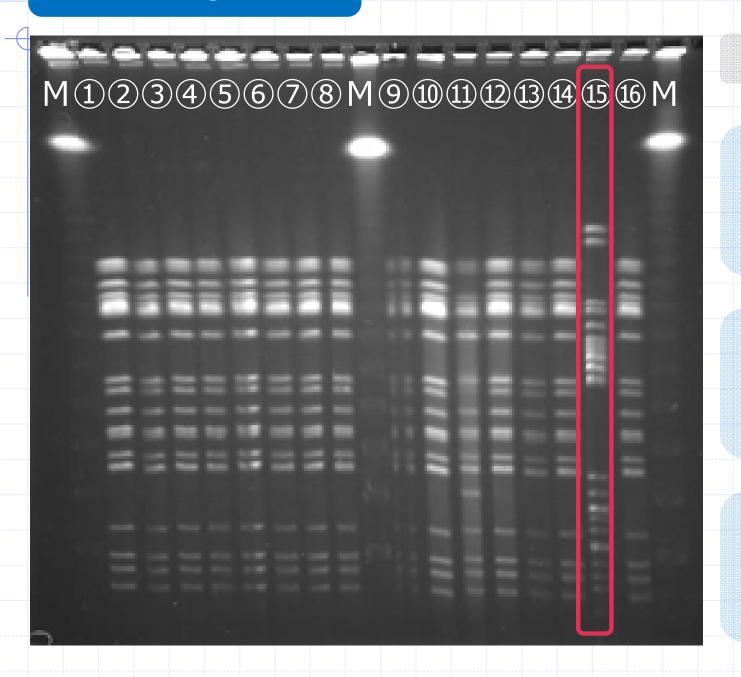
clpX : 383bp

lysP : 251bp

mdh: 114bp

IASR Vol.37 No.5 (2016.5) より

PFGE



M:マーカー

①·② 患者由来株 (県外)

③~⑫ 患者由来株 (県内)

①~⑥ 従事者由来株 (県内)

E.albertii に係る報告について

以下のいずれかの条件を満たす菌株については、 PCR法による*E.albertii*の探索を実施する

- eae陽性・非運動性・ 乳糖非発酵・硫化水素 非産生の菌株
- stx2f陽性の菌株

- Shigella boydii 血清型13と同定された菌株
- Hafnia alvei と同定 された菌株

健感発1109第2号(平成28年11月9日)より

シーケンス

Identities = 401/401 (100%)

KX765476.1 *Escherichia albertii* strain SP20150270 16S ribosomal RNA gene, partial sequence.

Z83203.1 H.alvei 16S ribosomal RNA;.

KF917183.1 *Bacillus sp.* BAB-3453 16S ribosomal RNA gene, partial sequence.

AY696682.1 *Shigella boydii* strain 3552-77 16S ribosomal RNA gene, partial sequence.

検査に関する留意点

従来

eae陽性→腸管病原性大腸菌陽性 stx陽性→腸管出血性大腸菌陽性



E.a 高い割合でeaeを有する

stx2サブタイプのうちstx2f・stx2a を保有する場合がある

(病原性大腸菌と誤同定されることがある)

結語

- ●食中毒検査マニュアルに従い、有力な病原体が検出されなかった場合は、非 定型性状の菌を考慮して検査をすべき である。
- ●複数の自治体が関与する広域発生の場合は、疫学情報や分離菌株の性状などに関する連絡を積極的に行い、関係者間で情報を共有することが重要である。



ご清聴ありがとうございました